

PHÁT HIỆN PARVOVIRUS TYPE 2C TRÊN CHÓ Ở HÀ NỘI NĂM 2017 BẰNG PHƯƠNG PHÁP SINH HỌC PHÂN TỬ

*Đoàn Thị Thanh Hương^{1,2}, Nguyễn Thị Khuê^{1,2}, Phạm Hồng Ngọc³,
Nguyễn Hữu Đức³, Đỗ Thị Roan¹, Lê Thị Kim Xuyên¹, Lê Thanh Hòa^{1,2}*

TÓM TẮT

Gen VP2 của 5 mẫu bệnh phẩm Parvovirus trên chó thu tại quận Tây Hồ, Hà Nội năm 2017 đã được giải trình tự. Kết quả phân tích thành phần nucleotide và amino acid của những mẫu gen này cho thấy tất cả các chủng Parvovirus (CPV) phân lập được đều thuộc type 2c (CPV-2c). Phân tích phả hệ nguồn gốc cho thấy các chủng CPV Việt Nam phân lập năm 2017 có mối quan hệ gần gũi với các chủng CPV phân lập ở Thành phố Hồ Chí Minh năm 2013 và chủng GX1581 của Trung Quốc.

Từ khóa: Parvovirus, VP2, CPV-2c, Hà Nội, Việt Nam.

Genotyping of Canine Parvovirus (CPV) type 2c isolated in 2017 in Ha Noi, Viet Nam

*Doan Thi Thanh Huong, Nguyen Thi Khue, Pham Hong Ngoc,
Nguyen Huu Duc, Do Thi Roan, Le Thi Kim Xuyen, Le Thanh Hoa*

SUMMARY

The entire sequences for VP2 gene of 5 CPV samples collecting from Tay Ho district, Ha Noi City in 2017 were determined. Based on analysis of nucleotide and amino acid, all Vietnamese CPV strains in this study were classified into type 2c (CPV-2c). Phylogenetic analysis revealed that the Vietnamese CPV strains isolating in 2017 were closely related to the CPV strain that was isolated in Ho Chi Minh city in 2013 and the Chinese GX1581 strain.

Keywords: Parvovirus, VP2, CPV-2c, Ha Noi, Viet Nam.

¹ Viện Công nghệ sinh học – Viện Hàn lâm Khoa học và Công nghệ Việt Nam

² Học viện Khoa học và Công nghệ - Viện Hàn lâm Khoa học và Công nghệ Việt Nam

³ Học viện Nông nghiệp Việt Nam