

Nghiên cứu khoa học

SỰ LƯU HÀNH CỦA CÁC CHỦNG VIRUS GÂY HỘI CHỨNG SUY GIẢM HÔ HẤP VÀ SINH SẢN (PRRSV) TRÊN ĐÀN LỢN Ở MỘT SỐ TỈNH MIỀN BẮC VÀ MIỀN TRUNG VIỆT NAM TRONG NĂM 2022–2024

*Đàm Thị Vui, Nguyễn Hoàng Đăng, Đỗ Thị Hoa, Mai Thùy Dương, Hoàng Thị Diệp, Ngô Thị Hương, Nguyễn Khánh, Đàm Xuân Hòa, Phạm Thu Hồng, Đặng Cao Phúc, Nguyễn Thị Kim Oanh, Ngô Văn Bắc, Nguyễn Đăng Thọ**

Trung tâm Chẩn đoán Thú y Trung ương

**Tác giả liên hệ email: thovet99@yahoo.com*

TÓM TẮT

PRRSV đã lưu hành hơn 30 năm trên toàn cầu, gây thiệt hại nghiêm trọng cho ngành chăn nuôi lợn. Tại Việt Nam, dịch PRRS xuất hiện từ năm 2007 và vẫn đang là mối đe dọa lớn đối với năng suất và an toàn sinh học trong ngành chăn nuôi lợn. Trong nghiên cứu này, 150 mẫu PRRSV, genotype II thu thập từ 21 tỉnh miền Bắc và miền Trung (2022–2024) đã được giải trình tự, trong đó 137 mẫu đã giải trình tự ORF5 thành công để phân tích phả hệ. Kết quả phân tích đã xác định được 7 dòng phụ PRRSV, bao gồm: L1A, L3, L5A, L7, L10, L8C và L8E; với L8E (63,5%) và L5A (16,8%) là phổ biến nhất. L8E có đa dạng di truyền cao, chia thành 5 nhóm và phân bố rộng, trong khi các dòng phụ còn lại mới xuất hiện gần đây và cần theo dõi chặt chẽ. Kết quả của nghiên cứu này nhấn mạnh tầm quan trọng của việc giám sát và kiểm soát các dòng PRRSV, đặc biệt là L5A và L8E, nhằm nâng cao hiệu quả phòng chống dịch bệnh PRRS tại Việt Nam.

Từ khóa: Virus gây hội chứng suy giảm hô hấp và sinh sản ở lợn (PRRSV), dòng, dòng phụ.

Prevalence of PRRSV strains in pigs in some Northern and Central provinces, Viet Nam in 2022–2024

Dam Thi Vui, Nguyen Hoang Dang, Do Thi Hoa, Mai Thuy Duong, Hoang Thi Diep, Ngo Thi Huong, Nguyen Khanh, Dam Xuan Hoa, Pham Thu Hong, Dang Cao Phuc, Nguyen Thi Kim Oanh, Ngo Van Bac, Nguyen Dang Tho

SUMMARY

PRRSV has been circulating globally for over 30 years, causing significant economic losses to the swine industry. In Viet Nam, PRRS outbreaks have been occurred since 2007 and now day still remaining as a major threat to productivity and biosecurity in swine industry. In this study, 150 PRRSV genotype II-positive samples collected from 21 provinces in Northern and Central, Viet Nam (2022–2024) were sequenced, of which there were ORF5 sequences of 137 samples successfully identified for phylogenetic analysis. The analysis result showed that there were 7 PRRSV sub-lineages identified, such as: L1A, L3, L5A, L7, L10, L8C, and L8E, with L8E (63.5%) and L5A (16.8%) being the most prevalent. L8E exhibited high genetic diversity, clustering into five groups and widely distributed, while other sub-lineages recently emerged and required to monitor closely. The results of this study emphasise the importance of surveillance and control for PRRSV sublineages, particularly L5A and L8E, to improve the PRRS disease prevention in Viet Nam.

Keywords: PRRSV (porcine reproductive and respiratory syndrome virus), lineage, sub-lineage.