

Nghiên cứu khoa học

BƯỚC ĐẦU XÁC ĐỊNH VIRUS GÂY BỆNH VIÊM THANH KHÍ QUẢN TRUYỀN NHIỄM Ở GÀ NUÔI TẠI HÀ NỘI NĂM 2022

Đông Văn Hiếu^{1}, Nguyễn Quang Đức², Trần Thị Hương Giang¹*

**Tác giả liên hệ email: dvhieuvet@vnua.edu.vn*

TÓM TẮT

Nghiên cứu này nhằm xác định sự hiện diện của virus gây bệnh viêm thanh khí quản truyền nhiễm (infectious laryngotracheitis virus - ILTV) ở gà nuôi tại một số huyện trên địa bàn Hà Nội. Tổng cộng 36 mẫu gộp gồm thanh quản, khí quản, phổi được thu thập từ những con gà có biểu hiện nghi mắc bệnh do ILTV. Phương pháp polymerase chain reaction (PCR) được sử dụng để phát hiện genome của ILTV trong mẫu bệnh phẩm. Kết quả nghiên cứu cho thấy genome của ILTV được xác định ở 2 mẫu (5,56%) trong tổng số 36 mẫu nghiên cứu. Cụ thể: 2 (7,69%) trong tổng số 26 mẫu thu thập ở huyện Chương Mỹ cho kết quả dương tính với genome của ILTV, trong khi đó các mẫu thu thập ở huyện Ba Vì không phát hiện thấy genome của ILTV. Kết quả phân tích một phần gen *Thymidine kinase* cho thấy 2 chủng ILTV xác định trong nghiên cứu này có mức tương đồng là 100%. Kết quả phân tích cây phả hệ cho thấy 2 chủng ILTV này có mối quan hệ di truyền với chủng SDRZ02 có nguồn gốc từ Trung Quốc.

Từ khóa: ILTV, gà, genome, Hà Nội, PCR.

Preliminary detection for infectious laryngotracheitis virus in chickens farmed in Ha Noi, 2022

Dong Van Hieu, Nguyen Quang Duc, Tran Thi Huong Giang

SUMMARY

The objective of this study aimed at determining the presence of infectious laryngotracheitis virus (ILTV) in chickens raised in some districts of Ha Noi City. A total of 36 pooled samples including larynx, trachea, lung samples were collected from the chickens with clinical signs suspecting ILTV infection. The polymerase chain reaction (PCR) method was used to detect the ILTV genome in the field samples. The studied result showed that genome of ILTV was detected from 2 samples (2/36) accounting for 5.56%. In detail, 2 (7.69%) from 26 samples collecting in Chuong My district were positive with genome of ILTV, whereas genome of ILTV was not identified from the samples collecting in Ba Vi district. Genetic analysis of partial *Thymidine kinase* gene sequences indicated that the nucleotide similarity level of two Vietnamese ILTV strains obtained in this study was 100%. Phylogenetic analysis revealed that the two Vietnamese ILTV strains were genetically related to the SDRZ02 ILTV strain reported in China.

Keywords: ILTV, chicken, genome, Ha Noi City, PCR.

¹ Khoa Thú y, Học viện Nông nghiệp Việt Nam

² Công ty Cổ phần thuốc Thú y Xanh Việt Nam