

ĐẶC ĐIỂM DI TRUYỀN CỦA VIRUS CA-RÊ ĐƯỢC PHÂN LẬP TRÊN CHÓ TẠI BỆNH XÁ THÚ Y, ĐẠI HỌC CẦN THƠ

*Trần Thị Thảo, Nguyễn Khánh Thuận,
Văn Mỹ Tiên, Lê Quang Trung, Trần Ngọc Bích
Khoa Nông nghiệp, Đại học Cần Thơ*

TÓM TẮT

Nghiên cứu đặc điểm di truyền của 7 chủng virus Ca-rê được phân lập trên chó tại Bệnh xá Thú y, Đại học Cần Thơ được tiến hành bằng cách giải trình tự gen H của virus, và so sánh trình tự nucleotide, amino acid giữa các chủng khảo sát với các chủng thực địa/vacxin được công bố trên GenBank. Kết quả nghiên cứu cho thấy, các chủng virus Ca-rê gây bệnh trên chó được phân lập có thể cùng chung một nguồn gốc và lưu hành phổ biến trong khu vực nghiên cứu với mức độ tương đồng cao (99,82–99,96%). Ngoài ra, sự tương đồng về nucleotide giữa các chủng nghiên cứu với các chủng khác trên GenBank là 93,26–99,56% và với các chủng vacxin trên GenBank là 96,72–97,08%. Các chủng virus Ca-rê được phân lập trên chó trong nghiên cứu này thuộc genotype Asia 1, lưu hành phổ biến tại Việt Nam và các nước châu Á. Kết quả nghiên cứu này góp phần làm cơ sở trong việc điều chỉnh, lựa chọn vacxin phù hợp trong phòng bệnh Ca-rê tại Việt Nam.

Từ khoá: Chó, virus Ca-rê, gen H, genotype Asia 1, thành phố Cần Thơ.

The genetic characteristics of *Canine distemper virus* isolated from infected dogs at the Veterinary Clinic, Can Tho University

*Tran Thi Thao, Nguyen Khanh Thuan,
Van My Tien, Le Quang Trung, Tran Ngoc Bich*

SUMMARY

The study on genetic characteristics of 7 strains of *Canine distemper virus* isolated from the infection dogs at the Veterinary Clinic, Can Tho University was conducted via sequencing the H gene, and comparing the sequence of nucleotides, amino acids between the surveyed strains and the field/vaccine strains published on the GenBank. The studied results showed that these virus strains could be the same origin, and circulated frequently in the study area with a high similarity levels (99.82–99.96%). Moreover, the similarity levels on nucleotides of the isolated strains with the other strains on the GenBank were 93.26–99.56%, and with the vaccine strains on the GenBank were 96.72–97.08%. The *Canine distemper virus* strains isolated from the infected dogs in this study belonged to the genotype Asia 1, circulating commonly in Viet Nam and Asian countries. The results of this study contribute the basis information for adjusting and selecting the appropriate vaccines against *Canine distemper virus* in Viet Nam.

Keywords: Dogs, *Canine distemper virus*, H gene, genotype Asia 1, Can Tho city.